

Evento: III Congreso Nacional de Biociencias
Fechas: 19 al 21 de Octubre de 2022
Locación: Radisson Victoria Plaza, Montevideo, Uruguay

Variación de la colonización y diversidad fúngica en raíces de plantas de campo natural respecto al fósforo disponible

Rodríguez Rodríguez, Natalia¹; Gonnet, Rebeca¹; Michelini, Diego²; Naya, Hugo³; Rodríguez-Blanco, Andrea¹

¹Departamento de Biología Vegetal, Facultad de Agronomía, Universidad de la República.;

²Estación Experimental de Facultad de Agronomía Salto, Facultad de Agronomía, Universidad de la República.

³Departamento de Producción Animal y Pasturas, Facultad de Agronomía, Universidad de la República

Las plantas han desarrollado diferentes estrategias para enfrentar la deficiencia de fósforo disponible en la mayoría de los suelos de campo natural. La asociación con hongos benéficos mediante una interacción simbiótica provee a la planta de P inaccesible para esta. El objetivo de este trabajo fue estudiar la plasticidad de la comunidad fúngica de las raíces al variar el fósforo disponible. Se realizó un ensayo en invernáculo en macetas incluyendo 4 especies de plantas (*Adesmia bicolor*, *Baccharis genistelloides*, *Cyperus aggregatus* y *Paspalum notatum*) y 3 niveles contrastantes de fósforo agregado. Se cuantificó la colonización de hongos en raíces mediante la observación en microscopio de raíces teñidas identificando estructuras de hongos micorrícicos (hifas, arbuscúlos, vesículas y ovillos) y de hongos septados oscuros (*DSE*). Los datos se analizaron ajustando un MLGM. La colonización micorrízica disminuyó al aumentar el fósforo para todas las especies, excepto *C. aggregatus*. Todas las especies presentaron hifas de *DSE*, en *A. bicolor* la colonización fue significativamente superior en el nivel intermedio, mientras que para *B. genistelloides* disminuyó al aumentar el P. La especie con mayor colonización micorrízica y de *DSE* fue *P. notatum* y la menos micorrizada *C. aggregatus*. La colonización micorrízica varió entre especies y nivel de P, mientras que el efecto en los *DSE* dependió de la especie. Para estudiar la comunidad fúngica, se amplificó y secuenció la región ITS2 en muestras de raíces. El preprocesamiento de datos se realizará utilizando DADA2 y UNITE para asignación taxonómica. Se estudiará la diversidad e identificarán taxas diferencialmente representadas.

Palabras clave: micorrizas; campo natural; plasticidad; fósforo; *DSE*.